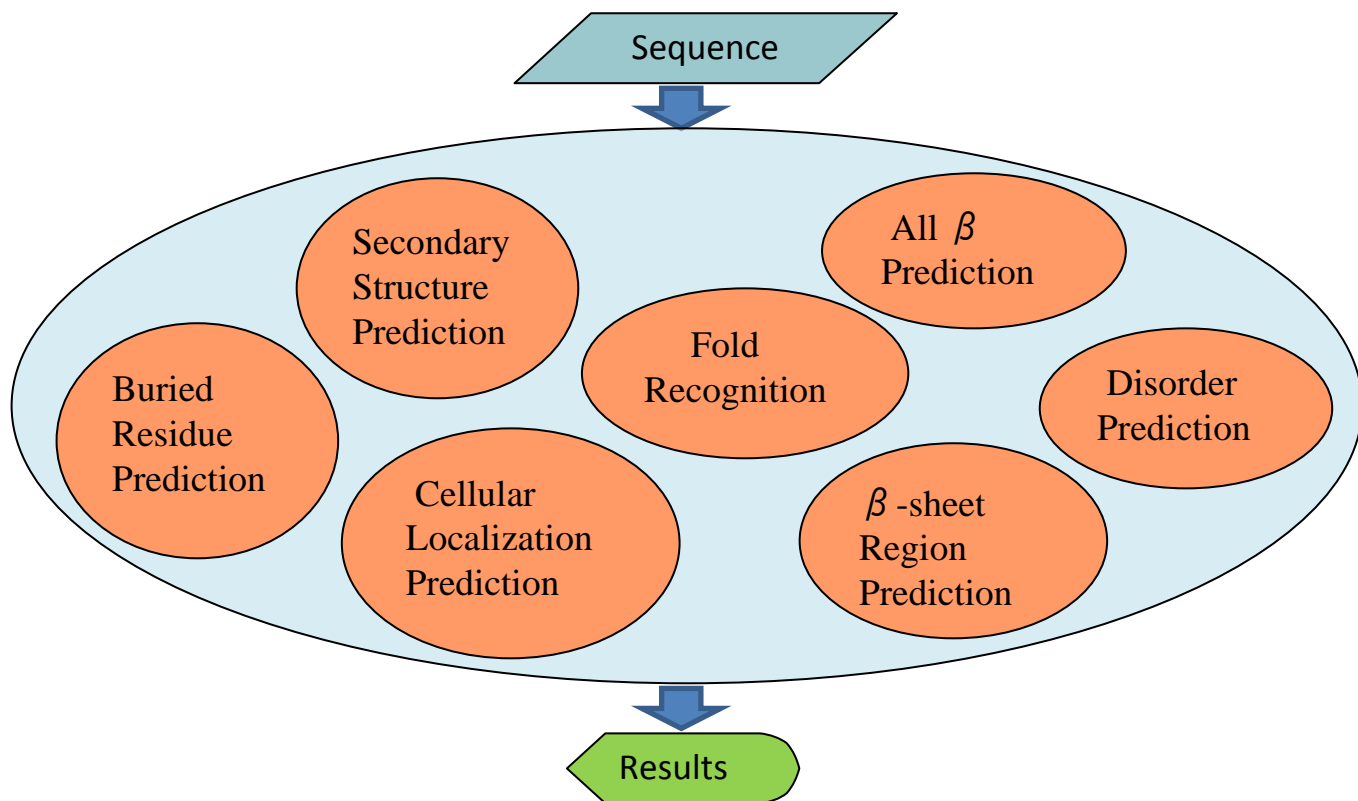


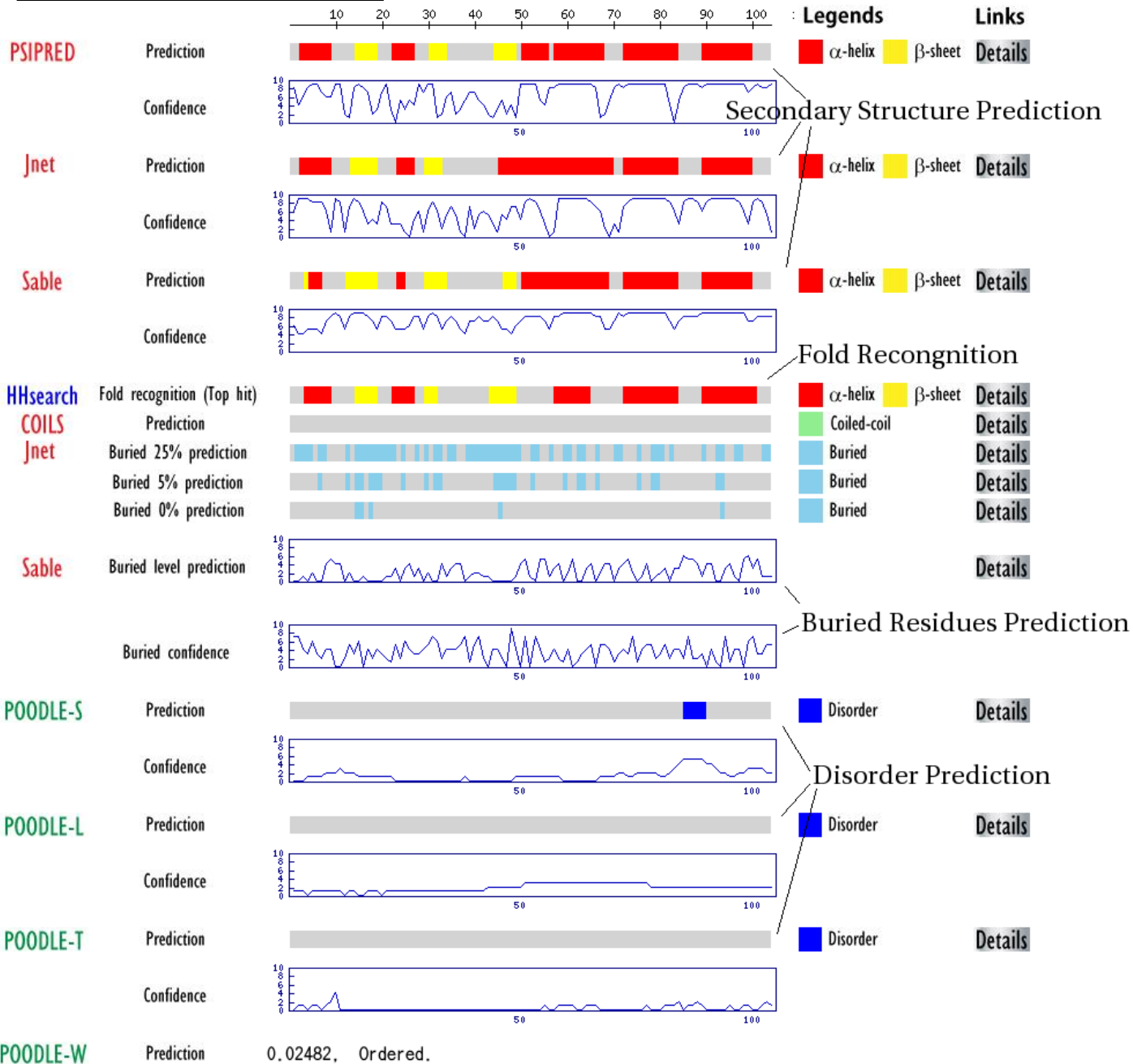
# CBRC タンパク質アノテーションワークフロー

<http://tgweb01.cbrc.jp>

- ユーザのタンパク質機能・構造推測の支援をします
- 一度の操作で比較的短時間に様々な予測を行います
- 結果比較解析が容易です
- メジャーデータベース (NCBI, SwissProt等) から有用なアノテーション情報が得られなかった場合、このワークフローによる様々な予測手法から新たな情報が得られます



# Example Results



## BLAST search results for SWISS-PROT

## InterProScan execution results

3 entries

## $\alpha$ -helix transmembrane region prediction

## $\beta$ -sheet transmembrane region prediction

PHOBIUS, SignalP

Your sequence is NOT likely to have transmembrane regions

TMBETADISC-COMP [Details](#) TMBETA-NET [Details](#)

## Subcellular localization prediction

WoLF-PSORT

Animal cyto 22, cyto\_nucl 20, cyto\_plas 14.1667, nucl 6.5

Plant cyto\_nucl 6.5, nucl 5.5, cyto 4.5, mito 2

Fungi cyto 13.5, cyto\_nucl 13.5, nucl 6.5, mito 5